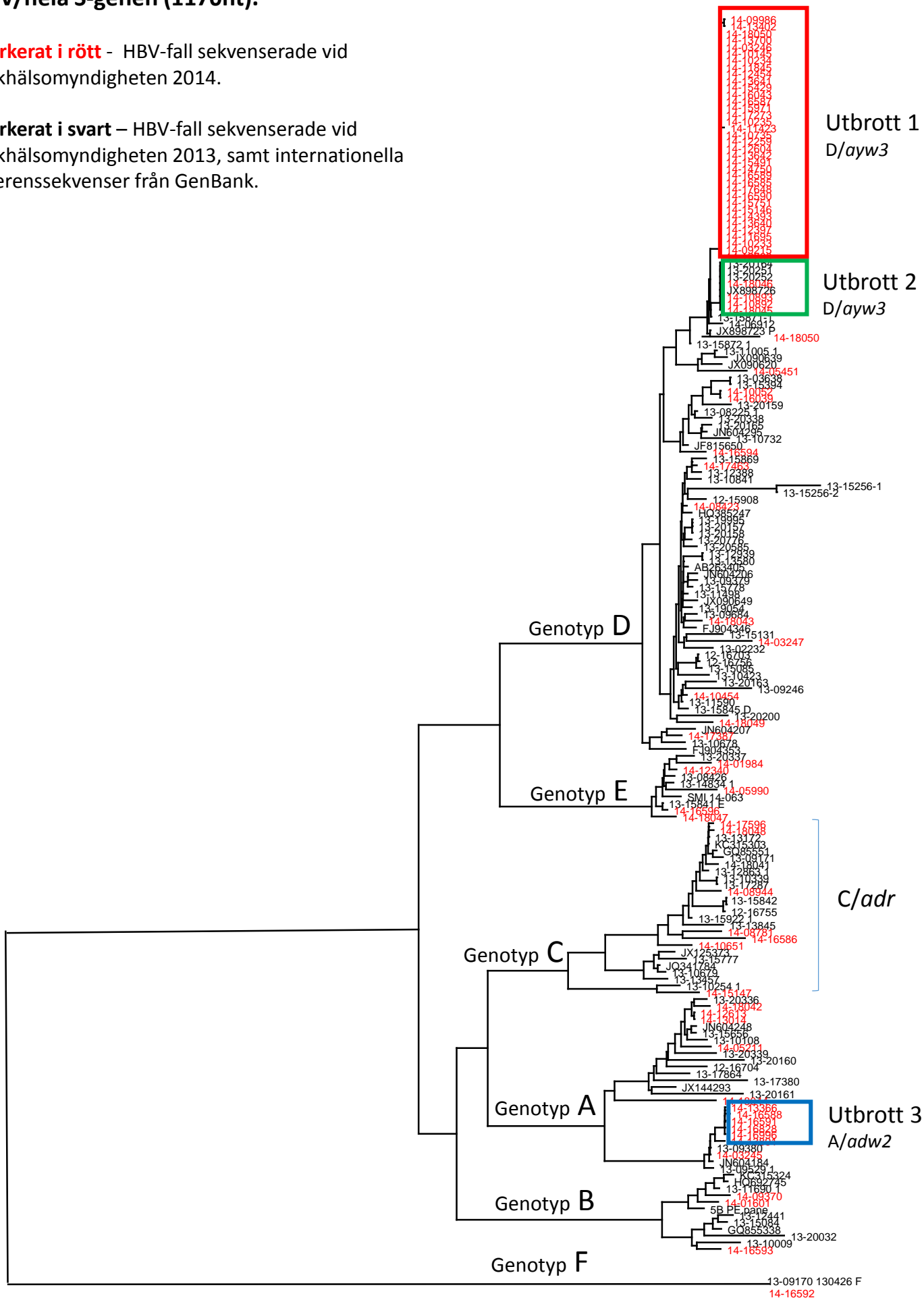


Fylogenetisk träd, NJ, baserat på analys av HBV/hela S-genen (1170nt).

Markerat i rött - HBV-fall sekvenserade vid Folkhälsomyndigheten 2014.

Markerat i svart – HBV-fall sekvenserade vid Folkhälsomyndigheten 2013, samt internationella referenssekvenser från GenBank.



Utbrott 1
D/ayw3

Utbrott 2
D/ayw3

C/adr

Utbrott 3
A/adw2

Genotyp D

Genotyp E

Genotyp C

Genotyp A

Genotyp B

Genotyp F

13-09170 130426 F
14-16592